

Arbeitsgruppe "*Statistische Methoden in der Medizin*"

Arbeitsbericht 2001

Vorsitzender	Vertreterin	Schriftführer
Prof. Dr. Andreas Ziegler Institut für Medizinische Biometrie und Statistik Medizinische Universität zu Lübeck Ratzeburger Allee 160, Haus 4 D-23538 Lübeck Tel.: 0451 / 500-2780 Fax: 0451 / 500-2999 email: ziegler@imbs.mu-luebeck.de	Dr. Katrin Jensen Institut für Medizinische Biometrie und Informatik Ruprecht-Karls-Universität Heidelberg Im Neuenheimer Feld 305 D-69120 Heidelberg Tel.: 06221 / 56-4180 Fax: 06221 / 56-4195 email: jensen@imbi.uni-heidelberg.de	Dr. Ralf Bender AG 3 – Epidemiologie und Medizinische Statistik Fakultät für Gesundheitswiss. Universität Bielefeld Postfach 10 01 31 D-33501 Bielefeld Tel.: 05221 / 106-3803 Fax: 05221 / 106-6465 email: Ralf.Bender@uni-bielefeld.de

Auf dem **47. Biometrischen Kolloquium** der Deutschen Region der Internationalen Biometrischen Gesellschaft in Homburg (Saar) wurde am 21.03.2001 eine **Geschäftsordnungssitzung** der AG "*Statistische Methoden in der Medizin*" durchgeführt. Die AG-Leitung berichtete über die Arbeit der AG im vergangenen Jahr sowie über anstehende Aktivitäten und Entscheidungen. Es wurde über die GMDS-Tagung in Köln und über die Herbstworkshops 2001 und 2002 diskutiert. Das Protokoll der Sitzung steht im Internet unter "http://www.uni-bielefeld.de/gesundhw/ag3/AG_StaMMed/protokoll01.html".

Im Rahmen der **46. GMDS-Jahrestagung** in Köln fand in Zusammenarbeit mit der AG "*Statistische Methodik der Klinischen Forschung*" (GMDS) am 18.09.2001 eine Sitzung zum Thema "*Reliabilitätsaspekte bei Prognose- und Diagnosestudien*" statt. Dabei wurden folgende Vorträge präsentiert:

- Holle, R. (Neuherberg): *Statistische Methoden zur Qualitätskontrolle in medizinischen Studien.*
- Kohlmann, T. (Lübeck): *Psychometrische Analyse der Reliabilität von Messinstrumenten mit multiplen Indikatoren.*
- Krummenauer, F. (Mainz): *Evaluation bildgebender Verfahren mittels inter-kategoriemer kappas.*
- Gelbrich, G. (Leipzig): *Ordnungskonkordanzfunktion – eine anschauliche Darstellung für die Methodenkonkordanz bei metrischen Merkmalen.*
- Martus, P. (Berlin): *Definition und Quantifizierung von Übereinstimmung bei Messungen auf unterschiedlichen Skalen.*

Vom 22.-24. November 2001 fand gemeinsam mit den AGs "*Statistische Modellierung*" (IBS), "*Statistische Methodik der Klinischen Forschung*" (GMDS), "*Prognose und Entscheidungsfindung*" (GMDS), dem Arbeitskreis "*Humangenetik*" (GMDS) und der Projektgruppe "*Bioinformatik*" (IBS, GMDS) der **Herbstworkshop 2001 in Heidelberg** unter der lokalen Organisation von PD Dr. Ulrich Mansmann statt. Thema des Herbstworkshops war "*Biometrische Analyse molekularer Marker*". Prof. Hans C. van Houwelingen (Leiden) hielt ein Tutorium mit dem Titel "*Predicting clinical outcome with high-dimensional micro-array data*".

Folgende Vorträge wurden auf dem Herbstworkshop 2001 präsentiert:

- Winkelmann, B. (Heidelberg): *Evaluation of candidate genes, protein biomarkers and cardiovascular effects of drugs.*
- Sinn, H.P. (Heidelberg): *Molekulargenetische Prognosefaktoren beim Mammakarzinom im jungen Alter ermittelt mit comparativer genomischer Hybridisierung (CGH).*
- Mansmann, U. (Heidelberg): *Is Sialyl-LewisX a proliferation marker for patients with carcinoma of the colon – Some biometrical considerations.*
- Sültmann, H. (Heidelberg): *cDNA microarrays for gene expression studies in complex disease.*
- Faller, D. (Freiburg): *"Optimal" normalization of DNA-microarrays.*
- Huber, W. (Heidelberg): *Quality control, preprocessing and standardization of microarray data.*
- Beibel, M. (Freiburg): *Gene expression based classification of tumors.*
- Kauermann, G. (Glasgow): *Gene Classification with penalised mixture models.*
- Kropf, S. (Leipzig): *Practical experience in the analysis of gene expression data from two data sets concerning ALL in children and patients with nodules in the thyroid glands.*
- Hüsing, J. (Essen): *Einsatz der Expressionsanalyse in der Auffindung eines fehlenden Stranges.*
- Hartmann, O. (Marburg): *Application of resampling methods in microarray data analysis.*
- Platsch, H. & Krennrich, G. (Ludwigshafen): *Proteomics: From cell lysis to protein function.*
- Timmer, J. (Freiburg): *Data driven modelling of the dynamics of a cellular signalling pathway.*
- Kuß, O. (Halle): *Multinomiale logistische Regression mit korrelierten Beobachtungen.*
- Gelbrich, G. (Leipzig): *Wie ethisch sind unsere geliebten Alphas und Betas ?*
- König, I.R. (Lübeck): *Analysis of pooled DNA - a decision-theoretic model.*
- Geller, F. (Marburg): *Detecting genotyping errors by deviation from Hardy-Weinberg equilibrium.*
- Tan, Q. (Odense, Denmark): *A logistic regression model measuring gene-longevity associations.*
- Nicodeme, P. (Evry, France): *Fast approximate motif statistics.*
- Markowitz, F. (Heidelberg): *Support Vector Machines for protein fold class prediction.*
- Gieger, C. (Heidelberg): *Text mining in molecular biology.*

Das Programm, die Abstracts und die Folien zu den Vorträgen des Herbstworkshops 2001 sind im Internet unter "<http://www.biometrie.uni-heidelberg.de/bamm2001/programm.htm>" zu finden.

Bielefeld, 12.12.2001

Andreas Ziegler, Katrin Jensen, Ralf Bender